

# 张飞

副教授、硕士生导师

江苏省南京市卫岗 1 号，南京农业大学园艺学院 邮编：210095

电话：025-84396502（行政北楼 D104）

邮箱：zhangfei@njau.edu.cn



## 研究方向：

观赏植物种质资源与遗传育种，当前研究重点为菊花数量遗传学和分子标记辅助育种

## 教授课程：

园艺植物育种学总论、园艺植物育种学实验、花卉育种实习、观赏植物栽培与利用、花卉园艺等

## 教育经历：

- ◆ 2001.9 - 2005.7, 安徽科技学院，园艺教育专业，本科/学士
- ◆ 2005.9 - 2010.6, 南京农业大学，观赏园艺专业，研究生/博士

## 工作经历：

- ◆ 2010.7 - 2013.1, 浙江省农科院花卉研究开发中心，助理研究员
- ◆ 2013.2 - 至今, 南京农业大学园艺学院，副教授

## 学术兼职：

- ◆ 江苏省植物学会青年工作委员会副主任委员
- ◆ 国家自然科学基金、浙江省自然科学基金通讯评议专家；Mol Breeding, Euphytica, Sci Hortic 等杂志审稿人

## 获奖及荣誉：

- ◆ 2013 年，南京农业大学第二批“钟山学术新秀”
- ◆ 2014 年，中国园艺学会华耐园艺科技奖（排 7）

## 主要科研项目（2011-2016）：

- ◆ 国家自然科学基金面上项目，菊花不同生长时期耐寒性的遗传变异与动态 QTL 分析(31572152)，83.8 万元，2016.1-2019.12，主持
- ◆ 国家自然科学基金面上项目，菊花托桂性状的遗传解析与分子标记定位（31370699），82 万元，2014.1-2017.12，主持
- ◆ 江苏省自然科学基金面上项目，菊花耐寒性 QTL 的动态表达机制（SBK20151429），10 万元，2015.7-2018.6，主持
- ◆ 上海市种业发展项目，无（少）侧芽切花菊品种资源收集、评价与创新利用（沪农科种字（2016）第 1-14 号）协作任务，54 万元，2016.4-2018.12，主持
- ◆ 江苏省农业三新工程项目，切花菊缓慢生长离体保存技术（SXGC[2016]318），50 万元，2016.4-2017.11，执行专家

- ◆ 中央级高校基本科研业务费自主创新重点项目，基于 SLAF-seq 的 LD 作图挖掘菊花耐寒性优异等位变异 (KYZZ201507)，20 万元，2015.1-2017.12，主持
- ◆ 江苏高校优势学科建设工程“现代园艺科学”人才培养引进费，5 万元，2013.3-2013.12，主持
- ◆ 国家自然科学基金青年项目，光萼荷属观赏凤梨种质资源的分子评价与优异等位基因挖掘 (31101570)，23 万元，2012.1-2014.12，主持
- ◆ 浙江省自然科学基金面上项目，光萼荷属观赏凤梨种质资源遗传多样性和群体结构的分子评价 (Y3110271)，8 万元，2011.1-2013.12，主持

#### 部分发表论文 (2011-2016) :

- ◆ **Zhang F**, Chen S, Chen F\*, Fang W, Chen Y, Li F. 2011. SRAP-based mapping and QTLs detection for inflorescence-related traits in chrysanthemum. *Mol Breeding* 27(1):11–23.
- ◆ **Zhang F**, Chen S, Chen F\*, Fang W, Deng Y, Chang Q, Liu P. 2011. Genetic analysis and associated SRAP markers for flowering traits of chrysanthemum (*Chrysanthemum morifolium*). *Euphytica* 177(1):15–24.
- ◆ **Zhang F**, Jiang J, Chen S, Chen F\*, Fang W. 2012. Mapping single-locus and epistatic QTL for plant architectural traits of chrysanthemum. *Mol Breeding* 30(2):1027–1036.
- ◆ **Zhang F**, Wang W, Ge Y, Shen X, Tian D, Liu J, Liu X, Yu X, Zhang Z. 2012. Genetic relatedness among *Aechmea* species and hybrids inferred from AFLP markers and pedigree data. *Sci Hortic* 139:39–45.
- ◆ **Zhang F**, Ge Y, Wang W, Shen X, Liu X, Liu J, Tian D, Yu X. 2012. Genetic diversity and population structure among cultivated bromeliad accessions revealed by SRAP markers. *Sci Hortic* 141:1–6.
- ◆ Wang W #, **Zhang F** #, Yu X, Shen X, Ge Y, Zhang Z. 2012. Genetic analysis and associated SRAP markers for horticultural traits of *Aechmea* bromeliads. *Sci Hortic* 141:29–33.
- ◆ **Zhang F**, Chen S, Jiang J, Guan Z, Fang W, Chen F\*. 2013. Genetic mapping of quantitative trait loci underlying flowering time in chrysanthemum (*Chrysanthemum morifolium*). *PLoS ONE* 8(12):e83023.
- ◆ Wang C, **Zhang F**, Guan Z, Chen S, Jiang J, Fang W, Chen F\*. 2014. Inheritance and molecular markers for aphid (*Macrosiphoniella sanbourni*) resistance in chrysanthemum (*Chrysanthemum morifolium* Ramat.). *Sci Hortic* 180:220-226.
- ◆ Zhu W, **Zhang F**, Chen S, Xu L, Wang L, Wang H, Qi X, Li H, Chen F\*. 2014. Intergeneric hybrids between *Chrysanthemum morifolium* and *Artemisia vulgaris* show enhanced resistance against both aphids and *Alternaria* leaf spot. *Euphytica* 197(3):339–408.
- ◆ Peng H, **Zhang F**, Jiang J, Chen S, Fang W, Guan Z, Chen F\*. 2015. Identification of quantitative trait loci for branching traits of spray cut chrysanthemum. *Euphytica* 202(3):385–392.
- ◆ Li P, **Zhang F**, Chen S, Jiang J, Fang W, Guan Z, Chen F\*. 2016. Genetic diversity, population structure and association analysis in cut chrysanthemum (*Chrysanthemum morifolium* Ramat.). *Mol Genet Genomics* 291(3):1117–1125.
- ◆ Su J, **Zhang F**, Li P, Guan Z, Fang W, Chen F\*. 2016. Genetic variation and association mapping of waterlogging tolerance in chrysanthemum. *Planta* 244(6):1241-1252

【数据截止 2016 年 10 月】