

上官凌飞



副教授

硕士生导师

生科楼 B2021

南京农业大学园艺学院

江苏省南京市玄武区卫岗 1 号

Email: shangguanlf@njau.edu.cn

研究方向

葡萄种质资源与遗传育种、葡萄基因组学

教授课程

《园艺作物育种学（双语）》、《园艺作物育种学实验》、《园艺学进展》、《园艺植物分子生物学》、《园艺植物生物技术试验》、《园艺生产技能训练》等课程

学习经历

2014.03-2015.10 美国农业部贝尔茨维尔农业研究中心 博士后(导师: Tianbao Yang)

2008.09-2013.06 南京农业大学 果树学 农学博士(导师: 房经贵)

2004.09-2008.06 安徽科技学院 农 学 农学学士

工作经历

2016.01-至今 南京农业大学 副教授

2013.09-2015.12 南京农业大学 讲 师

科研项目

国家自然科学基金面上项目 (31772283, 2018-2021)

国家自然科学基金青年基金项目 (31401846, 2015-2017)

中央高校基本科研业务费青年项目 (KJQN201540, 2015-2017)

中国博士后科学基金第 56 批面上资助项目 (2014M561664, 2014-2015)

江苏省博士后科研资助计划项目 (1401051B, 2014-2015)

浙江省农业厅“三农六方”科技协作项目（CTZB-F160728AWZ-SNY1，2017）
园艺学院微课项目（2015-2017）

获奖及荣誉

2016 年度园艺学院教学观摩优秀奖

2016 年度园艺学院优秀共产党员

学生培养

2016 年度，指导校级 SRT 项目 1 项

2015 年度，指导本科毕业生 1 名（赴日本东北大学攻读研究生学位）

2015 年度，指导校级 SRT 项目 1 项

参编论著

《葡萄遗传育种与基因组学》(副主编)

发表论文

1. Leng X P, Wang P, Zhu X D, Li X P, Zheng T, **Shangguan L F***, Fang J G. 2017. Ectopic expression of *CSD1* and *CSD2* targeting genes of miR398 in grapevine is associated with oxidative stress tolerance. *Functional & Integrative Genomics*, 17(6): 697-710.
2. Leng X P, Wang P P, Zhao P C, Wang M Q, Cui L W, **Shangguan L F***, Wang C. 2017. Conservation of microRNA-mediated regulatory networks in response to copper stress in grapevine. *Plant Growth Regulation*, 82: 293.
3. **Shangguan L F**, Mu Q, Fang X, Zhang K K, Jia H F, Li X Y, Bao Y Q, Fang J G. 2017. RNA-sequencing reveals biological networks during table grapevine ('Fujiminori') fruit development. *PLoS ONE*, 12(1): e0170571.
4. Leng X P, Mu Q, Wang X M, Li X P, Zhu X D, **Shangguan L F***, Fang J G. 2015. Transporters, chaperones, and P-type ATPases controlling grapevine copper homeostasis. *Functional & Integrative Genomics*, 15:673-684.
5. **Shangguan L F**, Sun X, Zhang C Q, Mu Q, Leng X P, Fang J G. 2015. Genome identification and analysis of genes encoding the key enzymes involved in organic acid biosynthesis pathway in apple, grape, and sweet orange. *Scientia Horticulturae*, 185, 22-28.

6. **Shangguan L F**, Song C N, Han J, Leng X P, Korir N K, Mu Q, Kayesh E, Fang J G. 2014. Characterization of regulatory mechanism of *Poncirus trifoliata* microRNAs on their target genes with an integrated strategy of newly developed PPM-RACE and RLM-RACE. *Gene*, 535(1): 42-52.
7. **Shangguan L F**, Wang X M, Leng X P, Liu D, Ren G H, Tao R, Zhang C Q, Fang J G. 2014. Identification and bioinformatic analysis of *signal responsive/calmodulin-binding transcription activators* gene models in *Vitis vinifera*. *Molecular Biology Reports*, 41(5): 2937-2949.
8. **Shangguan L F**, Leng X P, Wang C, Fang J G. 2014. Mining and comparison of the genes encoding the key enzymes involved in sugar biosynthesis in apple, grape, and sweet orange. *Scientia Horticulturae*, 165(22): 311-318.
9. **Shangguan L F**, Han J, Kayesh E, Sun X, Zhang C Q, Pervaizl T, Wen X C, Fang J G. 2013. Evaluation of genome sequencing quality in selected plant species using expressed sequence tags. *PLoS ONE*, 8(7): e69890.
10. **Shangguan L F**, Korir N K, Leng X P, Sun X, Kayesh E, Mu Q, Fang J G. 2013. Whole genome identification and analysis of *FK506-binding protein* family genes in grapevine (*Vitis vinifera* L.). *Molecular Biology Reports*, 40(6): 4015-4031.
11. **Shangguan L F**, Wang C, Kayesh E, Zhang Y P, Nicholas K K, Han J, Fang J G. 2012. Review and structural analysis of the evolution of grapevine (*Vitis vinifera* L.) genes involved in flower and fruit development. *Journal of Horticultural Sciences & Biotechnology*, 87(3): 243-249.
12. **Shangguan L F**, Wang Y, Li X, Wang Y, Song C, Fang J G. 2012. Identification of selected apricot cultivars using RAPD and EST-SSR markers. *Caryologia*, 65(2): 130-139.
13. 上官凌飞、韩键、任国慧、王西成、孙欣、房经贵. 2012. 葡萄基因电子表达分析平台的验证与应用, *植物资源与环境学报*, 21(3): 80-86.
14. 上官凌飞、韩键、房经贵、王西成、冷翔鹏. 2012. 利用 EST 序列鉴定葡萄应答外源赤霉素的基因, *农业生物技术学报*, 20(2): 135-145.
15. 上官凌飞、王晨、房经贵、李晓颖、王西成、宋长年. 2011. 利用 GenBank 中大量葡萄 EST 序列分离有效基因的电子表达分析平台方法初探, *中国农业科学*, 44(13): 2748-2759.

授权专利

1. 一种高观赏性 Fashion Y 型葡萄架 (ZL201620737097.9, 4/4)
2. 一种快速区分核桃品种的引物和方法 (ZL201110407833.6, 5/6)
3. 梅、杏及杏梅的 PCR 快速鉴定区分方法 (ZL200810234569.9, 3/4)

新品种选育

葡萄新品种 ‘百瑞早’ (苏鉴果 201505, 4/4)

地方标准

1. 葡萄苗木组培繁育技术章程 (DB32/T 2093-2012, 4/4)

(2017.10)