

姓名	刘同坤	性别	男	
出生日期	1986.2	职称	教授/博导	
学历	研究生	学位	博士	
毕业院校	南京农业大学	学科专业	蔬菜学	
任课名称	园艺与健康；分子生物学基本实验技能教授开放课；Advanced vegetable breeding			
电话	025-84395296	EMAIL	liutk@njau.edu.cn	
学习和工作经历	<p>2012年6月，毕业于南京农业大学蔬菜学专业，获农学博士学位。</p> <p>2012年8月，留校任教，讲师。</p> <p>2013年9月，被评为南京农业大学第二批钟山学术新秀。</p> <p>2014年以第四完成人（4/8）获教育部高等学校自然科学奖二等奖。</p> <p>2015年被评为副教授、硕导。</p> <p>2015年10月至2016年9月，美国华盛顿大学生物系做访问学者。</p> <p>2020年，被破格评为博导。</p> <p>2021年被评为教授、博导。</p> <p>主要从事蔬菜晚抽薹分子生物学和多倍体育种研究工作。</p>			
科研项目	<ul style="list-style-type: none"> • 不结球白菜 BcMAF1 基因参与晚抽薹的调控机制. 国家自然科学基金 (31301782), 23 万元。2014.01-2016.12, 主持。 • BcMAF2 基因防止不结球白菜先期抽薹的调控机制. 江苏省自然科学基金青年基金项目 (BK20130673), 20 万元。2013.07-2016.06, 主持。 • 基于表达谱分析探讨不结球白菜晚抽薹基因 BcMAF1 的分子机理. 南京农业大学青年科技创新基金 (KJ2013015), 5 万元。2013.07-2015.06, 主持。 • DNA 去甲基化在不结球白菜春化抽薹中的调控机制. 中国博士后科学基金(一等) (2014M550294), 8 万元。2014.07-2016.06, 主持。 • BcPIF3 介导不结球白菜春化和光周期途径的分子机制. 中国博士后科学基金特别资助 (2015T80561), 15 万元。2015.07-2017.06, 主持。 • 不结球白菜春化过程中去甲基化关键基因的克隆和功能分析. 中央高校基本科研业务费自主创新重点项目 (Y0201700179), 20 万元。2017.01-2019.12, 主持。 • 不结球白菜晚抽薹 Dof 转录因子 BrCDF1 的调控机制. 江苏省自然科学基金面上项目 (BK20171374), 10 万元。2017.07-2020.06, 主 			

	<p>持。</p> <ul style="list-style-type: none"> • 食赏两用不结球白菜黄玫瑰周年转色技术研究. 江苏省农业科技自主创新资金项目 (CX(19)3122), 40 万元。2019.07-2021.06, 主持。 • BrbZIP 转录因子介导 ABA 和光周期调控不结球白菜抽薹开花的分子机理 (32072575)。国家自然科学基金面上项目, 58 万元。2021.01 - 2024.12, 主持。
<p>发表论文</p>	<ol style="list-style-type: none"> 1. Tongkun Liu, Weike Duan, Zhongwen Chen, Jingping Yuan, Dong Xiao, Xilin Hou, and Ying Li*. Enhanced photosynthetic activity in pak choi hybrids is associated with increased grana thylakoids in chloroplasts. <i>Plant J.</i> 2020, 103(6): 2211-2224. 2. Changwei Zhang, Huiyu Wang, Yuanyuan Xu, Shuning Zhang, Jianjun Wang, Bing Hu, Xilin Hou, Ying Li and Tongkun Liu*. Enhanced relative electron transport rate contributes to increased photosynthetic capacity in autotetraploid Pak Choi. <i>Plant Cell Physiol.</i> 2020, 61(4): 761-774 3. Lin Li, Peng Wu, Xiaoting Wu, Xilin Hou , Hong Wang, Tongkun Liu*. Molecular mechanism, evolution, expression and functional analyses of MAF/FLC clade members in Pak-choi (<i>Brassica rapa</i> ssp. <i>chinensis</i>). <i>Plant Molecular Biology Reporter</i>, 2019, 37: 334-346. 4. Feiyi Huang[†], Tongkun Liu[†], Jin Wang, Xilin Hou*. Isolation and functional characterization of a floral repressor, BcFLC2, from Pak-choi (<i>Brassica rapa</i> ssp. <i>chinensis</i>). <i>Planta</i>, 2018, 248(2): 423-435. 5. Huang F[†], Wu XT[†], Hou XL, Shao SX, Liu TK*. Vernalization can

- regulate flowering time through microRNA mechanism in *Brassica rapa*. *Physiologia Plantarum*, 2018, 164(2):204-215.
6. **Liu TK**, Li Y, Duan WK, Huang FY, Hou XL*. Cold acclimation alters DNA methylation patterns and confers tolerance to heat and high increases growth rate in *Brassica rapa*. *Journal of Experimental Botany*, 2017, 68 (5):1213-1224.
 7. Duan WK, Zhang HJ, Zhang B, Wu XT, Shao SX, Li Y, Hou XL, **Liu TK***. Role of vernalization-mediated demethylation in the floral transition of *Brassica rapa*. *Planta*, 2017, 245: 227–233.
 8. Goralogia GS, **Liu TK**, Zhao L, Panipinto PM, Groover ED, Bains YS, Imaizumi T*. CYCLING DOF FACTOR 1 represses transcription through the TOPLESS co-repressor for photoperiodic flowering in *Arabidopsis*. *Plant J* 2017, 92 (2), 244–262.
 9. **Liu TK**, Qian Y, Duan WK, Ren J, Hou XL, Li Y*. *BcRISP1*, isolated from non-heading Chinese cabbage, decreases the seed set of transgenic *Arabidopsis*. *Horticulture Research*, 2014, 1, 14062
 10. **Liu TK**, Song XM, Duan WK, Huang ZN, Liu GF, Li Y, Hou XL* Genome-wide analysis and expression patterns of NAC transcription factor family under different developmental stages and abiotic stresses in Chinese cabbage, *Plant Molecular Biology Reporter*, 2014, 32: 1041–1056.
 11. **Liu TK**, Li Y, Zhang CW , Duan WK, Huang FY, Hou XL*. Basic helix–

loop-helix transcription factor *BcbHLHpol* functions as a positive regulator of pollen development in non-heading Chinese cabbage. ***Functional & Integrative Genomics***, 2014, 14(4):731-739.

12. Li Y, **Liu TK (co-author)**, Duan WK, Song XM, Shi GJ, Zhang JY, Deng XH, Zhang SN, Hou XL* Instability in mitochondrial membranes in Polima cytoplasmic male sterility of *Brassica rapa* ssp. *Chinensis*. ***Functional & Integrative Genomics***, 2014, 14(2):441-451.
13. Song XM, **Liu TK (co-author)**, Duan WK, Ma QH, Ren J, Wang Z, Li Y, Hou XL*. Genome-wide analysis of the GRAS gene family in Chinese cabbage (*Brassica rapa* ssp. *pekinensis*), ***Genomics***, 2014, 103 (1) :135-146
14. **Liu TK**, Dai W, Sun FF, Yang XD, Xiong AS, Hou XL*. Cloning and Characterization of the Nitrate Transporter Gene *BcNRT2.1* in Non-heading Chinese cabbage. ***Acta Physiologiae Plantarum***, 2013, 36(4): 815–823.
15. **Liu TK**, Li Y, Ren J, Qian Y, Yang XD, Duan WK, Hou XL*. Nitrate or NaCl regulates floral induction in *Arabidopsis thaliana*. ***Biologia***, 2013, 68(2): 1–8.
16. **Liu TK**, Zhang CW, Qi L, Sun FF, Hou XL*. Cloning and expression analysis of a CMS-related gene *BcCo1* from *Brassica campestris*

ssp. *chinensis*. ***Russian Journal of Plant Physiology***, 2013, 60(1):

124–130.

17. **Liu TK**, Li Y, Ren J, Zhang CW, Kong M, Song XM, Zhou JJ, Hou XL*.

Over-expression of *BcFLC1* from non-heading Chinese cabbage

(*Brassica campestris* ssp. *chinensis* Makino) enhances tolerance to

cold in *Arabidopsis*. ***Biologia Plantarum***, 2013, 57 (2): 262–266.